

## 國家基因體醫學研究中心

### illumina MiSeq 新增服務項目：

服務代號	服務項目	規格		學術界收費 (NTD)	產業界收費 (NTD)
C2-43.1	MiSeq Sequencing Service	per flow cell	50 cycles	37,285	42,993
C2-43.2			150 cycles	43,308	61,716
C2-43.3			300 cycles	50,508	68,916
C2-43.4			300 cycles, Micro	42,108	60,516
C2-43.5			300 cycles, Nano	30,708	49,116
C2-43.6			500 cycles	55,308	78,860
C2-43.7			500 cycles, Nano	34,908	58,460
C2-43.8			600 cycles	73,308	96,860
C2-51	DNA library sample preparation by Nextera XT	per sample		4,689	7,362
C2-52.1	MiSeq DNA Library QC	Per sample	qPCR only	1,218	1,929
C2-52.2			Qubit Fluorometer + Agilent Bioanalyzer HS	603	1,270
C2-52.3			Qubit Fluorometer + Agilent Bioanalyzer HS + qPCR	1,820	3,199

### 說明：

#### C2-43 MiSeq Sequencing Service

- 適用於本中心所製備 DNA 樣本庫 (library) 定序上機服務 (例如：C2-29、C2-45、C2-51 等)，或進行使用者自行製備的 DNA 樣本庫定序服務 (非本中心製備的樣本，需簽署續做同意書)。
- 若非由本中心所製備的 DNA 樣本庫，則須搭配本中心的 C2-52 MiSeq DNA Library QC 服務進行樣本品質偵測。樣本品質偵測服務的項目可依使用者的需求選擇適合的服務項目。
- 使用者自行製備 DNA 樣本庫所使用的 DNA 定序接頭(adaptor)與樣本條碼 (barcode)序列需符合 illumina MiSeq 定序要求。上機定序時可同時混和集用多個樣本作為多樣本性定序，同一集合內的樣本其樣本條碼(barcode)序列必

須不同。樣本條碼(barcode)有特殊組合方式，請先洽詢 NCGM-NGS 組。

4. 服務耗材會在使用者申請服務後向廠商訂購試劑，試劑到貨時間因依廠商出貨而異。
5. 服務價格計算方式為(C2-43 服務收費)+(C2-52 服務收費 X 樣本個數)。例如：學術界用戶送樣 4 個自製 library 樣本欲進行一個 50 cycles kit 上機服務，並選擇 C2-52.3 進行樣本 QC，則服務收費為 37,285+1,820\*4=44,565 元。

### **C2-51 DNA library sample preparation by Nextera XT**

1. 此 DNA 樣本庫製備服務適用於低濃度 DNA 且低通量的樣本定序需求，例如：Small genomes、Custom PCR Amplicons (> 300 bp，請先洽詢 NCGM)、Plasmids、Microbial Genomes 等，選擇此套組的優點在於樣本僅需使用 1 ng DNA 即可進行 DNA 樣本庫製備。
2. 每一樣本可連接不同的索引條碼(index/barcode)，並於上機定序時可混和集用多個樣本做多樣本性定序，此服務提供最多 96 種索引條碼。
3. 申請此項服務之前，建議使用者先與 NCGM-NGS 組進行服務前說明會以便討論服務需求，並幫助使用者選擇合適的服務項目。

### **C2-52 MiSeq DNA Library QC**

1. 本服務提供 3 種不同的檢測組合，使用者可依據實際需求選擇合適的 DNA 樣本庫品質檢測，分別為(1) Qubit 測定樣本庫濃度；(2) Bioanalyzer 測定樣本庫片段大小和波形，提供定序時所需的濃度稀釋基準；(3) QPCR 測定濃度為成功接上定序接頭(adaptor)的有效樣本庫濃度。